

HEMATO-ONKOLOOGILISTE NAT ANALÜÜSIDE TELLIMISLEHT

Patsiendi nimi:	Proovivõtu kuupäev:
Isikukood:	Proovivõtu kellaaeg:
Saatev asutus/osakond:	Proovivõtja:
TELLIJA:	Telefon:

☐ ESMANE PATSIENT ☐ KORDUV PATSIENT

DIAGNOOS / HÜPOTEES: _____

MÄRKUSED: _____

SAADETAV MATERJAL:

☐ LUUÜDI ☐ VERI ☐ Muu materjal (mis?) _____

Katsuti: **K2E / K3E katsuti (LILLA KORK); veri 6 mL; luuüdi 2 mL**

☐ DNA eraldamine ja arhiveerimine	DNA / RNA eraldamine ja arhiveerimine. Võimalus kasutada edaspidisteks analüüsideks	66607
☐ RNA eraldamine ja arhiveerimine		66607

Kvalitatiivsed analüüsid

☐ Hematoloogiliste kromosoomiaberratsioonide mRNA paneel (HemaVision)	66608 x 32
☐ FLT3 geenimuutuste paneel	66607 x 1 66618 x 1

Mutatsioonanalüüsid sekveneerimisega

☐ NPM1 geeni muutused (sekveneerimine)	66616
☐ Geenimuutused BCR::ABL1 kinaasi domeenis (sekveneerimine) ¹ <i>t(9;22) BCR/ABL1 mRNA % peab olema > 0,1%</i>	66616

Kvantitatiivsed analüüsid

t(9;22) BCR/ABL1 mRNA %	☐ JAK2 V617F DNA %	66616
☐ p210 CML mRNA %	Kui JAK2 V617F DNA % on negatiivne, kas teostada analüüs: Kroonilised müeloproliferatiivsed haigused - CALR, JAK2, MPL geenimutatsioonide paneel (NGS)	
☐ p190 ALL mRNA %		
☐ t(8;21) RUNX1/RUNX1T1 mRNA %	☐ JAH	☐ EI
☐ t(12;21) ETV6/RUNX1 mRNA %		
☐ inv(16) CBFB/MYH11 mRNA %		
☐ WT1 mRNA %		

NPM1 geeni muutused ⁵	
☐ NPM1 mutatsioon A mRNA %	66611
☐ NPM1 mutatsioon B mRNA %	66611
☐ NPM1 mutatsioon D mRNA %	66611

⁵ vajalik eelnev NPM1 geeni muutuste määramine (NGS või Sanger sekveneerimine)

☐ Minimaalse residuaalhaiguse hindamine (Ig/TCR, ALLTogether protokoll) ²	66611 x 5 66718 x 4 66607 66201
Mitmes ravipäev?	

² alates 29. ravipäevast. Vajalik eelnev Ig/TCR markerite sõeluuring (ALLTogether protokoll)

t(15;17) PML/RARA mRNA % ⁴	
☐ bcr1 mRNA %	66611
☐ bcr2 mRNA %	66611
☐ bcr3 mRNA %	66611

⁴ vajalik eelnev translokatsiooni määramine HemaVision kitiga

☐ Minimaalse residuaalhaiguse hindamine (NAT)	66611 x 6
Jälgitav marker	

³ vajalik eelnev patsiendispetsiifilise MRD analüüsi väljatöötamine